

Table S2. Oligonucleotides used in this study.

Primer	Sequence 5' to 3'
<i>rpoA</i> F	GTGACCCTTGAGCCTTTAGAG
<i>rpoA</i> R	ACACCATCAATCTCAACCTCG
<i>espA</i> F	AGCTATTTGAGGAACTCGGTG
<i>espA</i> R	CATCTTTTGTGCCGTGGTTG
<i>espB</i> F	GGTCAAGGCTACGGAAAGTG
<i>espB</i> R	TCTTCAGCAAAGTCAGAGGC
<i>tir</i> F	GAGGGAGTCAAATAGCGGTG
<i>tir</i> R	ATCTGAACGAAGGCTGGAAG
<i>eae</i> F	TGGGATGTTCAACGGTAAGTC
<i>eae</i> R	TTAACCTCAGCCCCATCAC
<i>stx2a</i> F	TGTCTGAAACTGCTCCTGTG
<i>stx2a</i> R	GATATTCTCCCCACTCTGACAC
<i>rpoZ</i> F	AGGACGCTGTAGAGAAAATTGG
<i>rpoZ</i> R	GCGCGATTACAGTGGTTTTATC
<i>ler</i> F	CGAGAGCAGGAAGTTCAAAGTG
<i>ler</i> R	ACACCTTTCGATGAGTTCCG
<i>escC</i> F	CTGAAGACAATGGCAAGTAATGG
<i>escC</i> R	ACTGCATTAAGACGTGGATCAG
<i>escV</i> F	GAGTGCAAAAGGAAAGCCAG
<i>escV</i> R	ATGATACCAGCAATAGCGTCC
<i>cpxA</i> F	TGGTGAAAGCAAGGAACTGG
<i>cpxA</i> R	TGATTGGCTTTGATGGTCTCG
<i>cpxR</i> F	GATGACTATCTCCCGAAACCG
<i>cpxR</i> R	ATCAACTTCCAGTGTCGGTG
<i>tnaA</i> F	AGGGATTAGAACGCGGTATTG
<i>tnaA</i> R	CGGAGTTACTGGTGATGGTTG
<i>barA</i> F	GCTGTTTTGTATCGGTATTGCG

<i>barA</i> R	AGCATAAATCCTTCCACTCGG
<i>creC</i> F	GCGAATTTTATGGGCCAGC
<i>creC</i> R	AGGAACGGGCTTATTGTCAG
<i>yojN</i> F	TTTGGCTATACGGAAGGGTTC
<i>yojN</i> R	TTCCAGCACCTTATCAACCG
<i>arcA</i> F	ATGGTTGGGAACTGGACATC
<i>arcA</i> R	CAGCACGGGACTGAATTTTG
<i>CR_espA</i> F	ACGAGGTAACAACCATGCGAGTGT
<i>CR_espA</i> R	CTGCCTGGCATTGCTTTCCAGAAT
<i>CR_tir</i> F	ATCAGATATCTCGCAAGCTCG
<i>CR_tir</i> R	CAACTCCATCTCCCATTCTG
<i>CR_eae</i> F	TGCGAAAGATACAGCCCTTAG
<i>CR_eae</i> R	ACCTCTGCCGTTCCATAATG
<i>CR_rpoA</i> F	ACGTCAGCCGGAAGTGAAAGAAGA
<i>CR_rpoA</i> R	AGCGGACAGTCAATTCCAGATCGT
<i>CR_cpxA</i> F	TCCGTAACTTCATTGGTCAGG
<i>CR_cpxA</i> R	CGGTCGAATCAGGTAAAGCTG
<i>CR_cpxR</i> F	TGAACATCTCAGCCAGGAAG
<i>CR_cpxR</i> R	CACGCAGAGTTTTAAACCACG
<i>CR_escV</i> F	GGGCGATGAAGTTTGTA AAAAGG
<i>CR_escV</i> R	CCAACCGACAATACAGAAAACAG
LR_CR_ <i>tnaA</i> _ <i>LacI</i> _F	CTGCTGCACCTCGCCCGCCAGGTTGCGCAGCTCTCACCA AAGATGTGAACGCATAACGTGATTCGATTCACATTTAAA CAATTTC
AK_prom_ <i>tnaA</i> _F_EHEC	GTGATTCGATTCACATTTAAACAATTTTC
AK_Kan_pkd4_SOE_F	CGTGTTACCTAAATTTGGCTAAAGCAAGCGAACCGGAAT TGC
AK_ <i>tnaB</i> _R	TTAGCCAAATTTAGGTAACACG
AK_ <i>lacZ</i> _ <i>prsM</i> _kn_R	GCCAGTACGGCGGCCAGTGAATCAGTATTGAGGTTTCATG GTTTCAGTCCTCAGAAGAACTCGTCAAGAAGGCG
AK_pkd4_Kan_R	TCAGAAGAACTCGTCAAGAAGGCG
AK_ <i>tnaA</i> _BT_P1_F	GCCACTAGTTGCATGGGTAACAAATACGACTTATGA

AK_tnaA_BT_P2_R	CCATCTTGATTTCCATGATTCAGCA
AK_tnaA_BT_P3_F	TGCTGAATCATGGAAAATCAAGATGGACCGTTCAGTTAG AACGATTGTC
AK_tnaA_BT_P4_R	GCCACTAGTTGAAGCATCTTTGCATATTGATAAACGG